

DETERMINACIÓN DEL VALOR PREDICTIVO DE MARCADORES MOLECULARES EN EL GRADO DE AVANCE DEL CÁNCER DE MAMA

Becaria: Lara Montero A, Centro de Estudios Farmacológicos y Botánicos, Ciudad Autónoma de Buenos Aires (CABA).
angelalaramt@gmail.com

Dirección: Wertheimer EV, Centro de Estudios Farmacológicos y Botánicos, CABA.

Colaboración: Cuneo N; Horton G; Garbovesky C; Arias C; Gon K; Flaks D; Vornetti S; Kordon E; Abba M.

RESUMEN

Introducción

Dada la importancia del cáncer de mama para la salud pública, es crucial identificar nuevos biomarcadores con el potencial de intensificar el diagnóstico temprano y/o predecir la prognosis del paciente. Los receptores tirosina-quinasa ErbB tienen un papel esencial en la progresión del cáncer de mama. La hiperactivación y sobreexpresión de ligandos de ErbB juegan roles fundamentales en la etiología del cáncer. Los ligandos ErbB3 promueven una fuerte activación de Rac1 en células de cáncer de mama. Rac1 es una Rho GTPasa implicada en motilidad celular, mitogénesis, transformación y metástasis. Esta proteína es activada por factores intercambiadores de nucleótidos de guanina.

Objetivos

A nivel general, determinar el valor predictivo de P-Rex1 y sus moléculas asociadas en la progresión del cáncer de mama. De manera específica, determinar la asociación de P-Rex1 con el grado de avance de la enfermedad y el tipo celular asociado, analizar la correlación entre P-Rex1 y el receptor de estrógeno y los receptores ErbB, y ampliar el análisis de asociación hacia otras moléculas relacionadas con P-Rex1.

Métodos

Se determinaron niveles proteicos de P-Rex1 en muestras de tumores y biopsias provenientes de pacientes argentinas del Hospital Curie, por ensayos de Western Blot con anticuerpos específicos.

Resultados

Se observó que los tumores positivos para el receptor de estrógeno y los HER2+ expresan P-Rex1, y los tumores de tipo triple negativo no lo expresan. La medición de los niveles de expresión de un set de genes regulados por P-Rex1 podría ser complementaria y mejorar su capacidad predictiva en un modelo de multimarcadores.

Conclusiones

El número de muestras analizadas no es suficiente para determinar la significancia de los resultados obtenidos, que indicarían que la expresión de P-Rex1 en pacientes argentinas tiene una distribución similar a pacientes de Estados Unidos y Holanda. Debe ampliarse el análisis de asociación hacia otras moléculas relacionadas con P-Rex1 como potenciales marcadores de progresión complementarios.

Palabras clave

Marcadores Biológicos; Estudio Transversal; Neoplasias Mamarias; Progresión; Pronóstico