

EPIDEMIOLOGÍA MOLECULAR DE HANTAVIRUS EN MISIONES: ESTUDIO DESCRIPTIVO DE GENOTIPOS VIRALES EN ROEDORES

Becaria: Pires Marczeski FC, Instituto Nacional de Medicina Tropical.
piresfanny@gmail.com

Dirección: Liotta DJ, Instituto Nacional de Medicina Tropical.

Colaboración: Salomon OD.

RESUMEN

Introducción

El SPH es una enfermedad emergente, aguda y severa con falla respiratoria en humanos. La expresión clínica y la tasa de letalidad dependen de la variante de hantavirus infectante: se observan desde formas asintomáticas hasta clásicas. Los hantavirus son patógenos zoonóticos emergentes, cuyos reservorios naturales son roedores de la familia Muridae (en América, la subfamilia Sigmodontinae). La transmisión ocurre por inhalación de aerosoles de la excreta de un roedor infectado. Cada hantavirus está asociado a un roedor reservorio específico en una región geográfica determinada. Se estima que la seroprevalencia de hantavirus en humanos y roedores oscila entre el 1% y el 40%. En la región Noreste de Argentina, sólo se han reportado seis casos de SPH; esto podría deberse a formas clínicas moderadas de la enfermedad, que conllevarían la subestimación del número real de casos. La prevención es la única estrategia de control, y resulta clave el conocimiento exhaustivo de la eco-epidemiología de la enfermedad.

Objetivos

Determinar las especies de roedores potencialmente reservorios de hantavirus en Misiones y caracterizar sus genotipos virales, construyendo un mapa de riesgo de zonas de circulación viral. Transferir a la Salud Pública Provincial.

Métodos

Captura de roedores: cuatro capturas durante tres noches consecutivas en diferentes áreas geográficas de Misiones, roedores manejados de acuerdo con los procedimientos de bioseguridad recomendados. Muestras biológicas: muestras de pulmón e hígado según normas de bioseguridad. RT-PCR: extracción de ARN mediante Trizol y purificado con RNAid kit. Amplificación parcial de genoma viral por RT-PCR. Secuenciación mediante dideoxinucleótidos fluorescentes terminadores de cadena. Identificación taxonómica de especies mediante técnicas morfométricas y ADN mitocondrial usando PCR con cebadores específicos del Cytb.

Resultados

No se informan por los motivos detallados en la sección Resultados del informe final.

Conclusiones

No se informan por motivos detallados en la sección Resultados del informe final.

Palabras clave

Hantavirus; SPH; Infecciones por Hantavirus